

IV REUNIÓN BINACIONAL DE ECOLOGÍA

Interacción, Espacio, Tiempo

8 al 13 de agosto 2010
Buenos Aires, Argentina



SIMPOSIO

Miércoles 11 de agosto
13:45 hs

INTERFASE GENÉTICA–ECOLOGÍA EN CONSERVACIÓN

Souto, Cintia P. (Lab. Ecotono, CRUB, INIBIOMA, UNComa-CONICET)

Premoli, Andrea C. (Lab. Ecotono, CRUB, INIBIOMA, UNComa-CONICET)

Uno de los mayores desafíos de la genética de la conservación es la detección de unidades evolutivamente significativas (ESU), ya sea por su particularidad y/o elevada diversidad genética. Estas unidades representarían la base sobre la que podría operar la evolución y por lo tanto conservarlas facilitaría la persistencia a largo plazo de las especies. El desarrollo de marcadores moleculares ha realizado un aporte importante en el análisis de la estructuración de la variación genética y su herencia. Estos marcadores tienen la ventaja que permiten analizar un gran número de individuos y poblaciones. Además, según la región del ADN analizada, permiten distinguir señales contemporáneas (ADN nuclear como isoenzimas y microsatélites) de aquellas históricas (ADN de la mitocondria o el cloroplasto). Sin embargo, los marcadores moleculares muestran diferencias genéticas neutras, es decir producto de los efectos del aislamiento y la deriva genética (cambios genéticos aleatorios). Así, su utilidad es limitada a la hora de comprender las respuestas adaptativas de las especies a cambios espaciales y temporales en las condiciones del medioambiente, las cuales pueden ser claves al momento de preservar la viabilidad a largo plazo de las poblaciones. Durante este simposio analizaremos distintos estudios genéticos de caso en especies amenazadas y especies modelo con el fin de realizar un aporte desde la genética ecológica, desde la filogeografía a la genética cuantitativa y de poblaciones, a la conservación.

Filogeografía y conservación: la rata vizcacha colorada *Tympanoctomys barrerae* (Rodentia, Octodontidae)

Ojeda, Agustina A. GIB, IADIZA, CCT Mendoza, CONICET agustinao@mendoza-conicet.gob.ar

La variación genética de *T. barrerae*, especie endémica de las tierras áridas de Argentina, está geográficamente distribuida. La singularidad genética de las poblaciones centrales cumple con la caracterización de Unidades de Manejo para la conservación de la especie a lo largo de su distribución

Genética y ecología aplicadas a la conservación de mamíferos sudamericanos

Túnez, Juan I. Grupo GEMA, DCB, Universidad Nacional de Luján nacho_tunez@yahoo.com.ar

Se resumen los estudios genético-ecológicos aplicados a la conservación de mamíferos sudamericanos realizados en nuestro grupo de investigación en los últimos años. Los resultados obtenidos evidencian la importancia de incluir estudios interdisciplinarios en nuestras líneas de investigación

Estimación *in situ* de la heredabilidad en poblaciones naturales de especies forestales sobre la base de marcadores moleculares

Vilardi, Juan C. Depto. EGE, FCEN, Univ. Buenos Aires vilardi@ege.fcen.uba.ar

Se analizó la exactitud y precisión de un método de estimación indirecta del parentesco entre individuos y la heredabilidad de rasgos cuantitativos aplicable a poblaciones naturales sin información genealógica en un huerto experimental de *Prosopis alba*

Conservación de bosques de Patagonia: herramientas moleculares y experimentales para reconstruir el pasado, analizar el presente y predecir futuros

Souto, Cintia P. Lab. Ecotono, CRUB, INIBIOMA, UNComa-CONICET csouto@crub.uncoma.edu.ar

Las especies leñosas varían intraespecíficamente en caracteres adaptativos y neutros. Estudios de variación geográfica con marcadores moleculares y caracteres cuantitativos son herramientas valiosas a ser utilizadas en el diseño de prácticas de manejo y conservación de especies clave de bosque